# **Installation BIOSIDE**

(8 juin 2005)

# Fichiers pour l'installation

Les fichiers sont situés sur : http://perso.enst-bretagne.fr/~bigaret/bioside/

Ils sont au nombre de 4 :

•	<pre>bioside_client.zip :</pre>	l'interface utilisateur pour le biologiste.
•	bioside_frontal.zip :	le serveur Bioside.
•	bioside_platform.zip :	le serveur qui assure le lien entre le serveur bioside et la(les) plateforme(s) de traitements bio-informatiques.
•	phylip_install_v3.63.zip :	l'ensemble d'outils de traitements bio-informatiques.

La description de l'installation présente ici est prévue pour Windows (testée sous Windows 2000 et Windows XP). Elle doit se dérouler dans un répertoire ne comportant pas d'espace (ex : C:\BIOSIDE).

Note importante : une machine virtuelle Java 1.4.2 est nécessaire pour faire fonctionner l'application.

# Installation de l'application

## **1** Install Phylip

Créer au sein du répertoire **BIOSIDE** nouvellement créé un répertoire **phylip**. Décompacter l'archive ZIP **phylip\_install\_v3.63.zip**. Une fois décompactée, elle contient trois fichiers eux-même des archives ZIP auto-décompactables. Les décompacter (toutes les trois) au sein du répertoire **phylip**.

Le répertoire important est le répertoire *exe* qui contient la suite des outils de traitements bioinformatiques.

## 2 Installation du serveur de lien entre le serveur BIOSIDE et la plateforme phylip

Décompacter le fichier *bioside\_platform.zip* dans le répertoire *BIOSIDE*. Dans le script de lancement *phylip\_platform\_local.bat*, mettre à jour la variable *PHYLIP\_EXEC\_DIRECTORY* vers le répertoire contenant phylip (répertoire *exe*). Exemple :

SET PHYLIP\_EXEC\_DIRECTORY=C:\BIOSIDE\phylip\exe

## Installation du serveur BIOSIDE (le FRONTAL)

Décompacter le fichier bioside\_frontal.zip dans le répertoire BIOSIDE.

## Installation du client

Décompacter le fichier bioside\_client.zip dans le répertoire BIOSIDE.

# Lancement de l'application

Le lancement de l'application se fait dans cet ordre :

- 1. Lancement du frontal
- 2. Lancement de la plateforme
- 3. Lancement du client

#### Lancement du frontal :

Script de lancement : *BIOSIDE\frontal\serveur\_local.bat* Si ok, affichage de :

> C:\ \BIOSIDE\frontal>java -DPHYLIP\_PLATFORM=WINDOWS -Djava.rmi.dgc.leaseValue=5000 jar .\bioside\_frontal.jar 57000 57001 8 juin 2005 16:11:44 serveur.SocketServer run INFO: Socket server started on port 57000 8 juin 2005 16:11:45 serveur.RMIServer initRegistryAndBindConnectant INFO: RMI registry configured and waiting on porttanguy.ext.enst-bretagne.fr:57001

#### Lancement de la plateforme :

Script de lancement : *BIOSIDE \ platform \phylip\_platform\_local.bat* Si ok, affichage de :

> 8 juin 2005 16:12:29 platform.Platform main INFO: Starting platform 8 juin 2005 16:12:29 etat.platform.PlateformeLoginEtat executer INFO: Connected to 192.168.2.95 (protocol.connection.RMIConnection@65a77f)

Sur le frontal, s'affiche alors la connexion de la plateforme :

```
8 juin 2005 16:12:29 etat.serveur.ServeurLoginEtat executer
INFO: Connection request: platform on: 192.168.2.95 (protocol.connection.RMIConn
ection@157aa53)
8 juin 2005 16:12:29 etat.serveur.PlatformQuery.ServeurLoginPlateformeEtat executer
INFO: platform 192.168.2.95 (protocol.connection.RMIConnection@157aa53) logged
```

# Lancement du *client* :

Script de lancement : **BIOSIDE \ client \ client \ local.bat** 

Login : *bioside/bioside* 



Menu Espace de travail -> ouvrir -> choisir scénarios\_phylip



L'espace de travail ouvert conntient deux scénarios représentés dans deux onglets (*Dnainvar* et *test\_mine*).



Mettre à jour les chemins vers les scripts d'exécution. Pour cela, double-cliquer sur les premiers éléments des graphes (*seqboot input* et *Fichier*).

F	Paramétrage	×
	Fichiers/dossiers	
	/home/big/Projets/Genomer/2005_S4_IRISA/workspaces/bioside/scenarios_phylip/Phylip/Fichiers/seqboot.txt	
		Ajouter
		Supprimer
	OK Annuler	

C:\BIOSIDE\client\workspaces\files\_for\_phylip\seqboot.txt pour le scénario test\_mine et C:\BIOSIDE\client\workspaces\files\_for\_phylip\dnainvar.txt

Note : dans les deux cas, supprimer l'ancien chemin (ne garder qu'une seule entrée).

# Exécution des scénarios

#### Menu *Exécution -> Run*.

Visualisation des résultats : menu *Exécution -> Résultats globaux*. Choisir la date d'exécution, les résultats sélectionnés s'affichent dans une fenêtre externe :

🚔 Resultats	- 🗆 ×
C:\BIOSIDE\client\workspaces\bioside\scenarios_phylip\test_mine\resultats\seqb[0-1]	Info
5.6	
Alpha AAAAAA	
Beta AAACCC	
Gamma AAAAAA	
Delta CCCCCC	
Epsilon CCCAAA	
5 6	
Alpha ACCAAC	
Beta ACCCCC	
Gamma ACCAAC	
Delta CAACCA	
Epsilon CAAAAC	
15 6	
Alpha AAAAAC	
Beta AACCCC	
Gamma ACAAAC	
Delta CCCCCA	
Epsilon CCAAAC	
5 6	
Alpha ACAAAA	
Beta ACCCCC	
Commo ACAAAA	